•综 述•

嗜酸粒细胞性哮喘生物标志物的研究进展

陈雪琴1,张明顺2,3,黄 茂1,吉宁飞1*

'南京医科大学第一附属医院呼吸与危重症医学科,江苏 南京 210029; '南京医科大学国家卫生健康委员会抗体技术重点实验室, '免疫学系,江苏 南京 211166

[摘 要] 哮喘是一种以慢性气道炎症为特点的异质性疾病,而嗜酸粒细胞性哮喘是基于气道炎症分型中最常见的一种亚型。作为诱导痰的替代生物标志物,血嗜酸粒细胞、呼出气一氧化氮、血清骨膜蛋白等被广泛应用于嗜酸粒细胞性哮喘的研究,但这些生物标志物预测嗜酸性气道炎症的能力饱受争议,联合使用或许能提高诊断的准确度。此外,随着组学技术的开展以及对疾病发病机制的深入认识,未来新型生物标志物有望应用于临床。

[关键词] 嗜酸粒细胞性哮喘;生物标志物;血嗜酸粒细胞;呼出气一氧化氮;组学

[中图分类号] R562.25

[文献标志码] A

[文章编号] 1007-4368(2022)05-734-06

doi:10.7655/NYDXBNS20220522

Advances in biomarkers for eosinophilic asthma

CHEN Xueqin¹, ZHANG Mingshun^{2,3}, HUANG Mao¹, JI Ningfei^{1*}

¹Department of Respiratory and Critical Care Medicine, the First Affiliated Hospital of Nanjing Medical University, Nanjing 210029; ²Key Laboratory of Antibody Techniques of National Health Commission, ³Department of Immunology, Nanjing Medical University, Nanjing 211166, China

[Abstract] Asthma is a heterogeneous disease characterized by chronic airway inflammation. Eosinophilic asthma is the most common subtype based on airway inflammatory classification. As alternative biomarkers for induced sputum, blood eosinophil, fractional exhaled nitric oxide, and serum periostin have been widely used in the study of eosinophilic asthma, but their ability to predict eosinophilic airway inflammation is controversial. Combined use of two or more biomarkers may improve the accuracy of diagnosis. In addition, with the development of omics technology and the in-depth understanding of the pathogenesis of asthma, new biomarkers are expected to be applied in clinic in the future.

[Key words] eosinophilic asthma; biomarker; peripheral blood eosinophil; fractional exhaled nitric oxide; omics

[J Nanjing Med Univ, 2022, 42(05):734-739]

哮喘是一类具有不同病理生理特征、临床表现、病理和预后的异质性疾病。从气道炎症的角度可分为4种类型:嗜酸粒细胞性哮喘(eosinophilic asthma, EA)、中性粒细胞哮喘、混合性粒细胞哮喘和寡粒细胞性哮喘,其中以EA最为常见[1]。诱导痰细胞是识别哮喘气道炎症的金标准,文献中常将EA定义为痰嗜酸粒细胞比例>1%~3%的哮喘^[2]。近

[基金项目] 国家自然科学基金面上项目(81770031, 81970031)

*通信作者(Corresponding author), E-mail: jiningfei@163.com

年来 EA 越来越受到关注,有研究显示部分 EA 患者尽管吸入高剂量糖皮质激素(激素)但气道嗜酸性炎症仍持续存在,与更严重的疾病程度和预后相关^[3]。聚类分析显示,这类患者成年起病,无特应性,常合并慢性鼻窦炎及鼻息肉,存在持续的气流受限^[4]。目前,新型靶向2型炎症的生物制剂能够精准化治疗特定表型(如 EA)的哮喘患者,对高特异性、可重复且易于测量的生物标志物的需求也愈加明显。诱导痰嗜酸粒细胞可预测哮喘急性发作以及调整吸入性糖皮质激素(inhaled corticosteroid, ICS)的剂量^[5-6],但技术要求较高且耗时,需配备专门的实验

室和操作人员。支气管组织活检和支气管肺泡灌洗液能直接反映气道嗜酸粒细胞炎症,但这些方法具有侵入性、价格昂贵的缺点,在基层医疗机构中不能广泛使用。一些非侵入性的生物标志物包括外周血嗜酸粒细胞、呼出气一氧化氮(fractional exhaled nitric oxide, FeNO)和骨膜蛋白(periostin)等成为潜在的替代标志物,但其预测嗜酸性气道炎症的能力仍存在争议。本文就EA的生物标志物作一综述。

1 外周血嗜酸粒细胞

外周血嗜酸粒细胞一直是痰嗜酸粒细胞的良好替代指标^[7]。有研究显示血嗜酸粒细胞计数在150个/μL及以上能准确预测痰嗜酸粒细胞增多,敏感性为85%,特异性为75%^[8]。同样,Schleich等^[9]提出血嗜酸粒细胞识别痰嗜酸粒细胞≥3%的理想界值为188个/μL,敏感性为72%,特异性为73%。还有研究将截断值设定在300个/μL^[5]甚至更高^[10]。关于血嗜酸粒细胞计数作为嗜酸粒细胞炎症的截断值尚未达成共识。一项病例对照研究显示,外周血嗜酸粒细胞增多与哮喘严重程度和症状控制不佳相关,但与肺功能减退无明显关联^[7]。血嗜酸粒细胞可以预测哮喘急性发作^[11]并识别出对抗白介素(IL)-5单抗治疗有应答的人群^[12],但用于指导2型生物制剂治疗的阈值是可变的(从150~400个/μL不等),取决于哮喘常规用药和使用的生物制剂^[13]。

外周血嗜酸粒细胞的测量具有简便、可重复的优点,但因其相对较高的假阴性率和假阳性率,仍不能完全代替痰嗜酸粒细胞^[10]。Hastie等^[5]发现血嗜酸粒细胞计数>300个/μL时识别嗜酸粒细胞表型的准确度只有63%,阳性预测值50%。这种低准确度可能是因为哮喘患者血嗜酸粒细胞的高度变异性^[14]。考虑到血嗜酸粒细胞在生物制剂的选择方面有着不可或缺的作用,重复测量血嗜酸粒细胞是有必要的^[14]。

2 FeNO

一氧化氮(nitric oxide, NO)是气道上皮细胞表达的一氧化氮合酶合成的一种反应性分子^[2],经口测量的 NO 又称 FeNO。多项研究表明, FeNO 与痰嗜酸粒细胞呈正相关^[6,15]。2011年美国胸科协会指出 FeNO < 25/20 ppb(成人/儿童)提示患者存在非嗜酸粒细胞炎症,对激素治疗不敏感;反之, FeNO > 50/35 ppb(成人/儿童)提示存在嗜酸粒细胞炎症,对

激素治疗有效[16]。FeNO不仅可以辅助诊断哮喘, 还能指导哮喘抗炎治疗[16-17]。一项 Meta 分析显示, 基于FeNO指导哮喘治疗可降低哮喘发作风险,但 对哮喘控制和肺功能无明显影响[18]。最近, Fielding 等[19]使用7项随机对照试验的数据进行个体患者数 据分析发现,基于FeNO指导治疗的模式对于未接 受白三烯受体拮抗剂治疗且不肥胖的哮喘患者可 能更有效。高FeNO水平的重症哮喘患者存在明显 的嗜酸性气道炎症、严重的气流受限和气道重塑, 也存在频繁的急诊就诊[20]。在重症哮喘患者中观 察到的FeNO与嗜酸粒细胞之间的联系可能是由于 激素抵抗或上皮细胞的持续激活,后者是NO合成 的主要部位,也是嗜酸性趋化因子的来源^[21]。Abe 等[22]连续3年测量100例重症哮喘患者的FeNO值, 发现 FeNO 水平持续在 50 ppb 以上与病情恶化有 关。此外, FeNO还可预测重症 EA 患者对生物制 剂,如奥马珠单抗(omalizumab)、美泊利单抗(mepolizumab)和贝那利珠单抗(benralizumab)等的治疗反 M [23]

与诱导痰相比,FeNO具有快速、简便、安全、重复性好的优点。但FeNO的测定易受过敏、年龄、激素用量、食物饮料、昼夜节律、吸烟等多种因素的影响。Nanda等[24]研究发现在5~7d内多次测量FeNO的平均值比单次测量值能更好地反映痰嗜酸粒细胞水平。

3 骨膜蛋白

骨膜蛋白是一种与纤维化有关的分泌型基质 蛋白,重组IL-4和IL-13在培养的支气管上皮细胞和 成纤维细胞中可上调骨膜蛋白的表达[25]。在哮喘 患者中,骨膜蛋白的表达水平与网状基底膜厚度相 关[25]。血清骨膜蛋白是哮喘嗜酸性气道炎症的生物 标志物,与痰嗜酸粒细胞和激素治疗反应相关[25-26]。 以25 ng/mL为分界值,血清骨膜蛋白可有效区分嗜 酸粒细胞低和高的个体,敏感性为57%,特异性为 85%,阳性预测值为93%[25]。然而,研究结果显示,在 两个独立的哮喘队列中,与血嗜酸粒细胞和FeNO相 比,血清骨膜蛋白在鉴别嗜酸粒细胞性炎症(痰嗜 酸粒细胞≥3%)和非嗜酸粒细胞性炎症方面的准确 度最低[27]。尽管诊断EA的能力相对较弱,血清骨 膜蛋白可预测哮喘患者的固定气流受限[28]以及新 型生物制剂的疗效^[26,29]。在一项人源化抗 IL-13 单 抗(lebrikizumab)的Ⅱ期临床试验中,治疗前血清骨 膜蛋白水平较高的哮喘患者使用lebrikizumab后肺功 能的改善比骨膜蛋白水平较低的患者更明显[29]。

相较于其他2型炎症生物标志物,血清骨膜蛋白的实验室标本处理和分析工作缺乏标准化流程,且易受年龄、吸烟、体重指数(body mass index,BMI)、合并症等因素的影响^[26,30],因此对于结果的解读需谨慎。

4 免疫球蛋白 E(immunoglobulin E, IgE)

IgE 通过 Fc 区与肥大细胞上的 FceR I 受体或 B淋巴细胞和嗜酸粒细胞上的 FceR II 受体结合,释放炎症介质,在过敏反应中发挥重要作用[13,31]。 IgE 与痰嗜酸粒细胞相关[5-6],但其诊断嗜酸粒细胞性哮喘的效力可能劣于 FeNO 和血嗜酸粒细胞。Westerhof等[32]通过受试者工作特征曲线比较血嗜酸粒细胞、FeNO 和总 IgE 3 种生物标志物预测痰嗜酸粒细胞增多的准确度发现,总 IgE 的曲线下面积(area under the curve, AUC)最小。 Good等[33]通过支气管镜检查以鉴定哮喘表型,也发现总 IgE 水平与支气管肺泡灌洗液或活检标本中的嗜酸粒细胞缺乏相关性,尽管这部分有嗜酸粒细胞证据的患者大多(>80%)过敏原皮肤试验阳性。

血清总 IgE 虽不能预测哮喘患者的临床应答,但抗 IgE 治疗可显著减少气道和外周血嗜酸粒细胞^[34]。对这一矛盾可能的解释是与抗 IgE 下调肥大细胞、嗜碱性粒细胞和树突状细胞表面的 FceR I 有关,表达 FceR I 细胞的减少限制过敏原诱导的 IgE 介导的反应,进而阻止细胞因子的释放和嗜酸粒细胞在气道中的募集^[2]。此外,抗 IgE 治疗还可以通过降低气道树突状细胞水平促进 Th2 分化、嗜酸粒细胞存活和募集所必需的 2 型细胞因子减少。

5 血嗜酸粒细胞、FeNO、血清骨膜蛋白和总 IgE 的组合

Korevaar 等^[6]纳入32项研究的荟萃分析显示,使用单一的替代生物标志物将导致大量假阳性或假阴性。不难理解,EA发病机制复杂、涉及不同的分子途径,而不同的生物标志物可能代表不同的2型气道炎症途径。因此,两个或两个以上生物标志物的组合或许可以提高检测嗜酸性气道炎症的敏感性和特异性。

Westerhof等[32]联合使用FeNO和血嗜酸粒细胞显著提高了诊断EA的准确度,但将总IgE加入FeNO和血嗜酸粒细胞的组合时,AUC值无明显变化。而Hastie等[5]联合使用血嗜酸粒细胞、FeNO和IgE并

未提高EA诊断的准确度。同样,Wagener等[27]将血嗜酸粒细胞、FeNO和血清骨膜蛋白3个标志物组合在一起时,没有发现任何改善。在指导治疗方面,Malerba等[35]研究发现,与传统策略(基于临床症状)相比,联合FeNO和痰嗜酸粒细胞调整ICS剂量可提高EA控制水平以及减少急性发作。正在进行中的英国医学研究理事会的难治性哮喘分层计划(RASP-UK)旨在探索重症哮喘的新型生物标志物分层策略,以改善重症哮喘患者的临床管理和靶向治疗,其结果在未来将提供更多的信息[36]。

6 嗜酸粒细胞阳离子蛋白和嗜酸粒细胞源性神经毒素

嗜酸粒细胞阳离子蛋白(eosinophil cationic protein, ECP)和嗜酸粒细胞源性神经毒素(eosinophilderived neurotoxin, EDN)是嗜酸粒细胞活化的标志,被认为是哮喘2型炎症的潜在生物标志物[37-38]。一项美泊利单抗治疗重症 EA的 III 期临床试验的事后分析[39]结果显示, EDN和ECP可预测第1秒用力呼气容积(forced expiratory volume in first second, FEV₁)的改善,同时高基线 EDN 亚组的哮喘急性发作频率较低基线 EDN 亚组下降更明显。但研究者指出,EDN的预测能力很大程度上是由于其与基线外周血嗜酸粒细胞的相关性。最近,有研究显示血清EDN可用于评估 EA的严重程度[40]。An等[41]发现EDN 比血嗜酸粒细胞计数能更好地反映哮喘控制状况(AUC 0.726 vs. 0.628, P=0.024)。

7 呼吸组学、基因组学、蛋白组学、脂质组学等

"组学(omics)"反映了一种基于从单个样本获取大规模数据集的实验范式,目的是识别疾病的生物标志物和/或阐明新的功能或病理机制^[42]。测量呼出气冷凝物中的挥发性有机化合物(volatile organic compound, VOC)称为"呼吸组学"。呼出气中含有数千种 VOC的复杂气体混合物,它们来自全身和局部的代谢、炎症和氧化过程^[43]。目前用于分析 VOC 的技术包括气相色谱-质谱(gas chromatographymass spectrometry, GC - MS)和电子鼻(electronic nose, eNose)。GC-MS作为一种化学分析技术,通过与先前建立的参考库比较单个化合物的质量与电荷比以识别出呼吸样本中的单个成分;电子鼻则是类似哺乳动物嗅觉的多传感器设备,其对 VOC 混合物中的多种化合物具有交叉反应,产生由 VOC 混合物驱动并具有其特征的传感器响应模式^[43],缺点是不

能对呼出气的化学成分进行精确分析。研究显示,电子鼻技术能够区分哮喘和对照组,其准确度与FeNO和痰嗜酸粒细胞相当,并且预测哮喘患者对激素的反应优于痰嗜酸粒细胞和FeNO^[44]。Schleich等^[45]在一项前瞻性队列研究中使用GC-MS分析发现,己烷和2-己酮能很好地识别EA,其准确度与血嗜酸粒细胞和FeNO相当。此外,FeNO、血嗜酸粒细胞和 VOCs 的组合对EA显示出较好的预测能力(AUC为0.9)。

除上述呼吸组学可应用于炎症表型的识别,还有其他组学技术在开展。Rossios等 [46] 发现痰IL1RL1(也称为IL33R或ST2)基因表达与重症 EA相关。Schofield等 [47] 采用无偏标记定量质谱和拓扑数据分析方法对 206 例哮喘患者的痰上清液蛋白质组进行分析,发现有 10 种蛋白(组蛋白 H4、玻璃体凝集素、富含组氨酸的糖蛋白、免疫球蛋白重常数g3、补体 C3、转甲状腺素、血清转铁蛋白、α-1-抗胰蛋白酶、半乳糖凝集素-3结合蛋白和 ezrin)能较好地预测 EA表型。Gai等 [48]使用液相色谱-质谱法测定血清代谢甘油磷脂谱,结果显示痰嗜酸粒细胞≥3%组血清溶血磷脂酰甘油水平明显高于痰嗜酸粒细胞 < 3%组,提示血清溶血磷脂酰甘油可能是 EA的一个生物标志物。

8 分子途径相关标志物

在过敏性EA中,Th2细胞是哮喘病理生理的驱 动因素,但近年来的研究表明,在成人起病的非过敏 性EA中,2型固有淋巴细胞(group 2 innate lymphoid cell,ILC2)扮演着重要角色[49]。ILC2是一群不表达 谱系标志物(不表达T、B、NK、肥大及嗜碱性粒细胞 等谱系标志物),并且缺乏抗原识别受体的细胞群, 在IL-33、IL-25和/或胸腺基质淋巴细胞生成素的刺 激下产生大量IL-5和IL-13,介导2型固有免疫[49]。 研究显示,ILC2在哮喘患者外周血中增加[50],且重 症EA患者的痰和外周血中ILC2水平比轻症哮喘患 者高[51]。Liu等[52]研究发现外周血淋巴细胞ILC2的 百分比(%ILC2)诊断EA的准确度略优于血嗜酸粒 细胞和FeNO。以0.076%ILC2为界值,检测嗜酸性 气道炎症的敏感性为67.7%,特异性为95.3%,提示 ILC2可能是EA的潜在生物标志物。一项前瞻性研 究结果显示,ILC2与外周血嗜酸粒细胞百分比呈正 相关,但与肺功能无关[53]。目前,关于ILC2能否替 代诱导痰诊断EA以及其在预测激素治疗反应和疾 病预后方面尚需进一步研究。

综上所述,无创、易获取、可重复的生物标志物将极大地简化和改善哮喘的诊断和治疗。单一的生物标志物并不能有效捕捉复杂的生物网络,两种或两种以上生物标志物的联合也许能提高诊断的准确度(如血嗜酸粒细胞和FeNO的组合)。此外,随着对EA发病机制的进一步认识以及组学等新技术的开展,确定新的、更上游的嗜酸粒细胞炎症生物标志物将为EA患者带来理想的靶向治疗。最后,考虑到部分生物标志物的不稳定性[14],未来的研究应着眼于这些炎症性生物标志物在长时间内的纵向变异性,以更好地应用于临床。

[参考文献]

- [1] SIMPSON J L, SCOTT R, BOYLE M J, et al. Inflammatory subtypes in asthma: assessment and identification using induced sputum[J]. Respirology, 2006, 11(1):54-61
- [2] WALFORD H H, DOHERTY T A. Diagnosis and management of eosinophilic asthma: a US perspective [J]. J Asthma Allergy, 2014, 7:53-65
- [3] BUHL R, HUMBERT M, BJERMER L, et al. Severe eosin-ophilic asthma: a roadmap to consensus [J]. Eur Respir J, 2017, 49(5):1700634
- [4] SIROUX V, BASAGANA X, BOUDIER A, et al. Identifying adult asthma phenotypes using a clustering approach [J]. Eur Respir J, 2011, 38(2):310-317
- [5] HASTIE A T, MOORE W C, LI H, et al. Biomarker surrogates do not accurately predict sputum eosinophil and neutrophil percentages in asthmatic subjects [J]. J Allergy Clin Immunol, 2013, 132(1):72-80
- [6] KOREVAAR D A, WESTERHOF G A, WANG J, et al. Diagnostic accuracy of minimally invasive markers for detection of airway eosinophilia in asthma: a systematic review and meta-analysis [J]. Lancet Respir Med, 2015, 3 (4):290-300
- [7] LIMA-MATOS A, PONTE E V, DE JESUS J P V, et al. Eosinophilic asthma, according to a blood eosinophil criterion, is associated with disease severity and lack of control among underprivileged urban Brazilians [J]. Respir Med, 2018, 145:95-100
- [8] ORTEGA H, KATZ L, GUNSOY N, et al. Blood eosinophil counts predict treatment response in patients with severe eosinophilic asthma [J]. J Allergy Clin Immunol, 2015,136(3):825-826
- [9] SCHLEICH F, BRUSSELLE G, LOUIS R, et al. Heterogeneity of phenotypes in severe asthmatics. The Belgian Severe Asthma Registry (BSAR) [J]. Respir Med, 2014, 108 (12):1723-1732
- [10] FOWLER S J, TAVERNIER G, NIVEN R. High blood eo-

- sinophil counts predict sputum eosinophilia in patients with severe asthma[J]. J Allergy Clin Immunol, 2015, 135 (3):822-824
- [11] TRAN TN, KERKHOF M, CARTER V, et al.Persistence of eosinophilic asthma endotype and clinical outcomes: a real world observational study [J]. J Asthma Allergy, 2021, 14:727-742
- [12] PRINCIPE S, PORSBjERG C, BOLM DITLEV S, et al. Treating severe asthma: targeting the IL-5 pathway [J]. Clin Exp Allergy, 2021, 51(8):992-1005
- [13] COUMOU H, BEL E H. Improving the diagnosis of eosinophilic asthma[J]. Expert Rev Respir Med, 2016, 10(10): 1093-103
- [14] CORREN J, DU E, GUBBI A, et al. Variability in Blood Eosinophil Counts in Patients with Eosinophilic Asthma [J]. J Allergy Clin Immunol Pract, 2021, 9 (3): 1224– 1231
- [15] GAO J, CHEN Z, JIE X, et al. Both fractional exhaled nitric oxide and sputum eosinophil were associated with uncontrolled asthma[J]. J Asthma Allergy, 2018, 11:73-79
- [16] DWEIK R A, BOGGS P B, ERZURUM S C, et al. An official ATS clinical practice guideline; interpretation of exhaled nitric oxide levels (FENO) for clinical applications
 [J]. Am J Respir Crit Care Med, 2011, 184(5):602-615
- [17] NAGASAKI T, MATSUMOTO H, IZUHARA K, et al. Utility of serum periostin in combination with exhaled nitric oxide in the management of asthma [J]. Allergol Int, 2017,66(3):404-410
- [18] PETSKY H L, CATES C J, KEW K M, et al. Tailoring asthma treatment on eosinophilic markers (exhaled nitric oxide or sputum eosinophils): a systematic review and meta-analysis[J]. Thorax, 2018, 73(12):1110-1119
- [19] FIELDING S S, PIJNENBURG M, DE JONGSTE J, et al. Does treatment guided by exhaled nitric oxide fraction improve outcomes in subgroups of children with asthma?[J]. Eur Respir J, 2020, 55(5):1901879
- [20] DWEIK R A, SORKNESS R L, WENZEL S, et al. Use of exhaled nitric oxide measurement to identify a reactive, atrisk phenotype among patients with asthma [J]. Am J Respir Crit Care Med, 2010, 181(10):1033-1041
- [21] TSELIOU E, BESSA V, HILLAS G, et al. Exhaled nitric oxide and exhaled breath condensate pH in severe refractory asthma[J]. Chest, 2010, 138(1):107-113
- [22] ABE Y, SUZUKI M, KIMURA H, et al. Annual fractional exhaled nitric oxide measurements and exacerbations in severe asthma[J]. J Asthma Allergy, 2020, 13:731–741
- [23] RICCIARDOLO F L M, SILKOFF P E. Perspectives on exhaled nitric oxide[J]. J Breath Res, 2017, 11(4):047104
- [24] NANDA CR, SINGAPURI A, SOARES M, et al. Domicil-

- iary exhaled nitric oxide and eosinophilic airway inflammation in adults with asthma[J]. Eur Respir J, 2016, 48 (1):242-244
- [25] JIA G, ERICKSON R W, CHOY D F, et al. Periostin is a systemic biomarker of eosinophilic airway inflammation in asthmatic patients [J]. J Allergy Clin Immunol, 2012, 130(3):647-654
- [26] NOVOSAD J, KRČMOVÁ I, BARTOŠ V, et al. Serum periostin levels in asthma patients in relation to omalizumab therapy and presence of chronic rhinosinusitis with nasal polyps [J]. Postepy Dermatol Alergol, 2020, 37(2): 240–249
- [27] WAGENER A H, DE NIjS S B, LUTTER R, et al. External validation of blood eosinophils, FE (NO) and serum periostin as surrogates for sputum eosinophils in asthma [J]. Thorax, 2015, 70(2):115-120
- [28] TAKAHASHI K, MEGURO K, KAWASHIMA H, et al. Serum periostin levels serve as a biomarker for both eosino-philic airway inflammation and fixed airflow limitation in well-controlled asthmatics [J]. J Asthma, 2019, 56(3): 236–243
- [29] CORREN J, LEMANSKE R F, HANANIA N A, et al. Lebrikizumab treatment in adults with asthma [J]. N Engl J Med, 2011, 365(12); 1088-1098
- [30] JAMES A, JANSON C, MALINOVSCHI A, et al. Serum periostin relates to type-2 inflammation and lung function in asthma: Data from the large population-based cohort Swedish GA(2)LEN[J]. Allergy, 2017, 72(11): 1753-1760
- [31] 傅 恒,王丽娜,杨月美,等. ADAM15在支气管哮喘表 达及意义[J]. 南京医科大学学报(自然科学版),2021, 41(5):684-689
- [32] WESTERHOF G A, KOREVAAR D A, AMELINK M, et al. Biomarkers to identify sputum eosinophilia in different adult asthma phenotypes[J]. Eur Respir J, 2015, 46(3): 688-696
- [33] GOOD JT J R, KOLAKOWSKI C A, GROSHONG S D, et al. Refractory asthma: importance of bronchoscopy to identify phenotypes and direct therapy [J]. Chest, 2012, 141(3):599-606
- [34] DJUKANOVIĆ R, WILSON S J, KRAFT M, et al. Effects of treatment with anti-immunoglobulin E antibody omalizumab on airway inflammation in allergic asthma[J]. Am J Respir Crit Care Med, 2004, 170(6):583-593
- [35] MALERBA M, RADAELI A, OLIVINI A, et al. The combined impact of exhaled nitric oxide and sputum eosinophils monitoring in asthma treatment: a prospective cohort study[J]. Curr Pharm Des, 2015, 21(32):4752-4762
- [36] HEANEY L G, DjUKANOVIC R, WOODCOCK A, et al.

- Research in progress: Medical Research Council United Kingdom Refractory Asthma Stratification Programme (RASP-UK)[J]. Thorax, 2016, 71(2):187–189
- [37] PATELIS A, ALVING K, MIDDELVELD R, et al. IgE sensitization to food allergens and airborne allergens in relation to biomarkers of type 2 inflammation in asthma [J]. Clin Exp Allergy, 2018, 48(9):1147–1154
- [38] JANG J H, WOO S D, LEE Y, et al. Changes in type 2 biomarkers after anti-IL5 treatment in patients with severe eosinophilic asthma [J]. Allergy Asthma Immunol Res, 2021, 13(2):330-338
- [39] HOWARTH P, QUIRCE S, PAPI A, et al. Eosinophil-derived neurotoxin and clinical outcomes with mepolizumab in severe eosinophilic asthma[J]. Allergy, 2020, 75(8): 2085-2088
- [40] RUTTEN B, YOUNG S, RHEDIN M, et al. Eosinophil-derived neurotoxin; a biologically and analytically attractive asthma biomarker [J]. PLoS One, 2021, 16(2); e0246627
- [41] AN J, LEE JH, SIM J H, et al. Serum eosinophil-derived neurotoxin better reflect asthma control status than blood eosinophil counts [J]. J Allergy Clin Immunol Pract, 2020,8(8):2681-2688
- [42] WHEELOCK C E, GOSS V M, BALGOMA D, et al. Application of 'omics technologies to biomarker discovery in inflammatory lung diseases [J]. Eur Respir J, 2013, 42(3): 802-825
- [43] VAN DER SCHEE M P, PAFF T, BRINKMAN P, et al. Breathomics in lung disease [J]. Chest, 2015, 147(1): 224-231
- [44] VAN DER SCHEE M P, PALMAY R, COWAN J O, et al. Predicting steroid responsiveness in patients with asthma using exhaled breath profiling [J]. Clin Exp Allergy, 2013,43(11):1217-1225
- [45] SCHLEICH F N, ZANELLA D, STEFANUTO P H, et al. Exhaled volatile organic compounds are able to discrimi-

- nate between neutrophilic and eosinophilic asthma [J]. Am J Respir Crit Care Med, 2019, 200(4):444-453
- [46] ROSSIOS C, PAVLIDIS S, HODA U, et al. Sputum transcriptomics reveal upregulation of IL-1 receptor family members in patients with severe asthma [J]. J Allergy Clin Immunol, 2018, 141(2):560-570
- [47] SCHOFIELD J P R, BURG D, NICHOLAS B, et al. Stratification of asthma phenotypes by airway proteomic signatures [J]. J Allergy Clin Immunol, 2019, 144(1):70–82
- [48] GAIX Y, ZHANG L J, CHANG C, et al. Metabolomic analysis of serum glycerophospholipid levels in eosinophilic and neutrophilic asthma [J]. Biomed Environ Sci, 2019, 32(2):96–106
- [49] SALTER B M, AW M, SEHMI R. The role of type 2 innate lymphoid cells in eosinophilic asthma[J]. J Leukoc Biol, 2019, 106(4):889-901
- [50] BARTEMES K R, KEPHART G M, FOX S J, et al. Enhanced innate type 2 immune response in peripheral blood from patients with asthma[J]. J Allergy Clin Immunol, 2014, 134(3):671-678
- [51] SMITH S G, CHEN R, KJARSGAARD M, et al. Increased numbers of activated group 2 innate lymphoid cells in the airways of patients with severe asthma and persistent airway eosinophilia [J]. J Allergy Clin Immunol, 2016, 137 (1):75-86 e8
- [52] LIU T, WU J, ZHAO J, et al. Type 2 innate lymphoid cells: a novel biomarker of eosinophilic airway inflammation in patients with mild to moderate asthma[J]. Respir Med, 2015, 109(11):1391-1396
- [53] YU Q N, TAN W P, FAN X L, et al. Increased group 2 innate lymphoid cells are correlated with eosinophilic granulocytes in patients with allergic airway inflammation [J]. Int Arch Allergy Immunol, 2018, 176(2):124-132

[收稿日期] 2022-02-19 (本文编辑:唐 震)