Sublytic C5b-9 刺激上调 KLF4 促进肾小球系膜细胞生成 IL-23 的作用

虞天一1.2,赵晨卉3,何风霞1.4,刘 玉1,宫雅娟1,赵 聃1,邱 文1,张 婧1*,王迎伟1*

'南京医科大学免疫学系,江苏 南京 211166;²东南大学附属中大医院妇产科,江苏 南京 210009;³南京医科大学第一附 属医院肿瘤科,江苏 南京 210029;⁴南京医科大学第二附属医院病理科,江苏 南京 210003

[摘 要]目的:研究转录因子KLF4调控 sublytic C5b-9刺激肾小球系膜细胞(glomerular mesangial cell,GMC)诱导促炎因子 白介素-23(IL-23)生成的作用。方法:构建KLF4的短发夹状小干扰RNA(shKLF4)及过表达质粒(pIRES2-KLF4)。将 pIRES2-KLF4或 shKLF4 转染GMC后再行 sublytic C5b-9刺激,用 qPCR、Western blot和ELISA法检查沉默或过表达KLF4基因后对GMC 产生 IL-23的影响。此外,构建IL-23基因近端启动子全长质粒,行荧光素酶报告基因实验测定沉默或过表达KLF4基因后对IL -23启动子活性的影响。结果:①Sublytic C5b-9刺激GMC后能明显促进IL-23的生成,而沉默KLF4基因后,由 sublytic C5b-9刺激GMC后能明显促进IL-23的生成,而沉默KLF4基因后,由 sublytic C5b-9刺激GMC后能明显促进IL-23的生成,而沉默KLF4基因后,由 sublytic C5b-9刺激GMC后能明显花进,而沉默KLF4基因后,由 sublytic C5b-9 诱导的IL-23启动子活性明显降低,但过表达KLF4后又能显著升高IL-23的启动子活性。结论:Sublytic C5b-9刺激诱导IL-23的生成可通过其刺激上调转录因子KLF4的表达而实现。

 [关键词] Sublytic C5b-9;肾小球系膜细胞(GMC);KLF4;IL-23

 [中图分类号] R692.3
 [文献标志码] A

doi:10.7655/NYDXBNS20181001

Sublytic C5b - 9 induces IL - 23 production of rat glomerular mesangial cells *via* up - regulated KLF4 expression

Yu Tianyi^{1,2}, Zhao Chenhui³, He Fengxia^{1,4}, Liu Yu¹, Gong Yajuan¹, Zhao Dan¹, Qiu Wen¹, Zhang Jing^{1*}, Wang Yingwei^{1*} ¹Department of Immunology, NMU, Nanjing 211166; ²Department of Obstetrics and Gynecology, Zhongda Hospital, Medical School, Southeast University, Nanjing 210009; ³Department of Oncology, the First Affiliated Hospital of NMU, Nanjing 210029; ⁴Department of Pathology, the Second Affiliated Hospital of NMU, Nanjing 210003, China

[Abstract] Objective: To explore the regulatory role of KLF4, as a transcription factor, in the production of pro-inflammation cytokine IL-23 gene in rat glomerular mesangial cells (GMC) induced by sublytic C5b-9. Methods: The plasmids of KLF4 short hairpin RNA (shKLF4) and KLF4 overexpression (pIRES2-KLF4) were first generated and transfected rat GMC respectively, then the cells were treated with or without sublytic C5b-9. The roles of silencing KLF4 gene in IL-23 synthesis induced by sublytic C5b-9 or overexpressing KLF4 gene in IL-23 production were detected by qPCR, Western blot and ELISA. Moreover, the plasmid of IL-23 promoter(full-length, FL)was also constructed. After co-transfection, the activity of IL-23 promoter with or without sublytic C5b-9 after KLF4 gene knockdown or overexpression was measured by luciferase reporter assay. **Results**: ① Sublytic C5b-9 could obviously elevate IL-23 production in rat GMC, and after KLF4 gene knochdown with shKLF4, the increase of IL-23 expression upon sublytic C5b-9 was remarkably diminished, but KLF4 overexpression in the GMC could markedly elevate IL-23 synthesis. ②The IL-23 promoter activity incubated with sublytic C5b-9 was obviously declined, but KLF4 overexpression greatly increased IL-23 promoter activity. **Conclusion**: Sublytic C5b-9 could induce IL-23 production of GMCs through the increase of KLF4 expression.

[Key words] sublytic C5b-9; glomerular mesangial cells(GMC); KLF4; IL-23

[Acta Univ Med Nanjing, 2018, 38(10):1331-1336, 1387]

[文章编号] 1007-4368(2018)10-1331-06

[基金项目] 国家自然科学基金(31500701,81471626);江苏省自然科学青年基金(BK20140910) *通信作者(Corresponding author), E-mail; jingzh2005@163.com; wangyw1508@njmu.edu.cn 系膜增生性肾小球肾炎(mesangial proliferative glomerulonephritis, MsPGN)是人类常见肾小球肾炎 的一种病理类型^[1],其病理特征主要是肾小球系膜细 胞(glomerular mesangial cell,GMC)的异常增生和细 胞外基质(extracellular matrix,ECM)的过度分泌^[2]。 大鼠Thy-1肾炎(Thy-1N)是一种研究MsPGN的动物 模型^[3-4]。由于幼龄大鼠胸腺细胞和GMC表面含有 共同的Thy-1抗原,故给大鼠注射抗胸腺细胞抗血 清(含Thy-1抗体)后,该抗体可与GMC表面的Thy-1 抗原结合,继而激活补体产生C5b-9复合物导致肾 脏损害^[5]。已有证据表明,在MsPGN患者的肾小球 内存在C5b-9的沉积,且C5b-9的沉积量与组织损伤 明显相关^[6]。

业已证实,补体C5b-9对靶细胞的作用分为全 溶解(lytic)和亚溶解(sublytic)两种类型。Lytic C5b-9能在有核细胞膜上形成跨膜通道导致细胞溶解, 而sublytic C5b-9则能刺激靶细胞,引起细胞凋亡^[7-8]、 增殖^[9-10]和促炎因子的合成^[11]等。本课题组以往的 研究已发现,大鼠Thy-1N发病具有 sublytic C5b-9的 依赖性。Sublytic C5b-9可作为GMC损伤的启动源, 活化胞内多条信号转导通路,最终促使细胞产生不 同的生物学效应^[7-12]。

就 sublytic C5b-9 刺激 GMC 诱导促炎因子生成 而言,这不仅需要相关信号的级联反应,还需要转 录因子的促进作用。本课题前期的实验已证实, Thy-1N 大鼠的肾组织(体内)和体外受 sublytic C5b-9 刺激的 GMC 中,其转录因子 KLF4 和促炎因子白 介素-23(interleukin,IL-23)的表达水平均明显升高, 且 KLF4 的上调时间早于 IL-23 基因的表达。提示 KLF4 或许与 IL-23 生成有一定的联系。

KLF4是Kruppel样家族的一个转录因子。大鼠的KLF4含482个氨基酸,它的表达不仅能影响细胞的发育与分化,而且还能调控相应的炎症反应^[13]。有人报告^[14],KLF4能经调控NF-kB信号参与上皮细胞的炎症过程,而过量的KLF4既可激活上皮细胞产生促炎因子,又可在TGF-β诱导的炎症中发挥作用。

IL-23是属于IL-12家族的一个促炎因子。有文献报道,IL-23能通过刺激T细胞分泌IL-6和IL-17参与诱导肠道炎症^[15]。此外,IL-23在自身免疫性关节炎中也起到了一定的促炎效应^[16]。

本课题组前期的实验已发现,Thy-1N 肾炎大鼠 和体外用 sublytic C5b-9 刺激的 GMC 中,KLF4 和 IL-23 表达均有上调,且 KLF4 的表达峰值早于 IL-23 的 升高。故推测,KLF4 的表达或许能对 sublytic C5b-9 诱导 IL-23 的基因启动和表达产生影响。为了能验 证这一设想,进行了以下实验。

1 材料和方法

1.1 材料

大鼠GMC细胞株(HBZY-1)由武汉大学中国典型培养物保藏中心提供。pIRES2-EGFP载体由上海捷瑞生物工程有限公司提供。pGPU6/GFP/Neo/shRNA载体购自上海吉玛基因化学技术有限公司。pGL3-basic和pRL-SV40双荧光素酶报告载体来源于美国Promega公司。

多克隆兔抗大鼠胸腺细胞血清(含Thy-1 Ab,效 价>1:640)由本实验室制备^[7-8]。补体来自20例健 康人志愿者新鲜血清(normal human serum, NHS)。 补体热灭活血清(heat-inactive serum, HIS)是指 56℃30 min灭活后的正常人血清。人补体C6缺陷 血清(human C6 deficient serum, C6DS)购于美国 Complement Technology公司。重组人C6来自北京 义翘神州生物技术有限公司。qPCR酶SYBR Green Master Mix 由南京诺唯赞(Vazyme)公司提供。羊 KLF4多克隆抗体(sc-1905)购于美国Santa Cruz公 司。大鼠IL-23 的 ELISA 试剂盒由上海酶联免疫生 物制品有限公司提供。Neon[™]细胞电转染系统购自 美国 Invitrogen 公司。双荧光素酶报告基因检测 (Dual-Luciferase[®] Reporter Assay)试剂盒来源于美 国 Promega公司。

1.2 方法

1.2.1 大鼠GMC培养和 sublytic C5b-9剂量的确定

将大鼠 GMC 细胞株加入完全 MEM 培养液中, 采用棋盘滴定法,即以不同浓度 Thy-1 抗体致敏 GMC,然后用不同浓度正常人血清(NHS,提供补体) 孵育。之后,用乳酸脱氢酶(LDH)法测定 GMC 溶解 的百分率,由补体介导的 GMC 溶解率小于 5% 被视 为亚溶解剂量。因此,本实验最终确定以 5% Thy-1 抗体与 4% NHS 作为形成 sublytic C5b-9 的最佳刺激 剂量^[10,12]。

1.2.2 质粒的构建与鉴定

1.2.2.1 KLF4 shRNA(shKLF4)质粒的构建与鉴定

由上海吉玛基因化学技术有限公司设计合成 4个针对KLF4基因不同靶点的pGPU6/GFP/Neo/shR-NA,其靶点和序列如下:①shKLF4-1(靶点+138~+ 158 nt):TGGCGAGAGGAACTCTCTCACATGAAGC-GACTTCCCC;②shKLF4-2(靶点+276~+296 nt):CG-GAGGGAGACCCGAGGAGTTCAACGATCTCCTGGA- CC;③shKLF4-3(靶点+300~+320 nt):GAAACACCG-GACCTAGACTTTATCCTTTCTTCAAGAG;④shKLF4-4(靶点+726~+746 nt):AGCCCTTCGGTCATCAGT-GTTAGCAAAGGAAGCCCAG。以空载体作为阴性对照(SHCTR)。

1.2.2.2 pIRES2-KLF4表达质粒的构建与鉴定

登录 NCBI, 搜索 GenBank 数据库中大鼠 KLF4 mRNA 序列(NM_053713.1) CDS 区, 用 Primer Premier 5软件设计引物,并交南京金斯瑞生物技术有 限公司合成。引物序列如下(上游引物下划线处为 *Bgl* II 酶切位点,下游引物下划线处为*Eco*R I 酶切 位点):上游 5'-GAAGATCTACTTCGGGGTTTGGG-TA-3';下游 5'-CGGAATTCTGGGTCATGTCCACGAT -3'(产物大小为1 539 bp)。此外,以大鼠GMC cDNA 为模板扩增目的片段。PCR产物的胶回收、pIRES2-EGFP载体与目的基因片段的酶切与连接及重组质 粒的鉴定等均参照文献方法进行^[9]。

1.2.2.3 IL-23基因启动子全长质粒的构建与鉴定

登录 NCBI, 搜索 GenBank 数据库中的大鼠 IL-23 DNA 序列(NM_130410.2),用 Primer Premier 5软 件设计 IL-23 基因启动子全长-1 316~+307 nt 引物, 序列如下:上游5'-CGACGCGTCTTCCCACTTT-GTCCC-3';下游5'-CCCTCGAGCTTGTTGCCT-GCTTCTC-3'(产物大小为1 623 bp)。之后,抽提 GMC 的 DNA。PCR 扩增 IL-23 启动子全长序列。将 pGL3-basic 载体及 IL-23 启动子序列酶切、连接。最 后经 DNA 测序鉴定后将构建的重组质粒命名为 pGL3-IL-23。

1.2.3 质粒转染 GMC 筛选最佳效率的 shKLF4 及验 证 pIRES2-KLF4 质粒的表达

质粒用 Neon[™]细胞电转染系统转染至 GMC 中, 先观察绿色荧光蛋白 (green fluorescent protein, GFP)的表达以评估转染效率。随后,先将 GMC 分 为 shKLF4-1+ sublytic C5b-9组、shKLF4-2+ sublytic C5b-9组、shKLF4-3+ sublytic C5b-9组、shKLF4-4+ sublytic C5b-9组、shCTR + sublytic C5b-9组和 Sublytic C5b-9组。转染上述小干扰质粒后 48 h,再行 sublytic C5b-9 刺激 3 h。取分组处理细胞加入蛋白 裂解液,提取 GMC 蛋白,用 Western blot 筛选干扰效 率最强的 KLF4小干扰质粒。另外,再将 GMC 分为 pIRES2和 pIRES2-KLF4 两组,转染48 h 后提取细胞 蛋白,如上用 Western blot 验证 KLF4 的表达。Western blot 方法是:每组取 20 µg 蛋白上样于 10% 的 SDS-PAGE 胶电泳 2 h,用湿转至 PVDF 膜上。加入 KLF4一抗4℃过夜。洗涤后加入HRP标记的二抗 45 min,用ECL发光液涂抹并置自动成像系统曝 光。对比内参β-actin行半定量分析。

1.2.4 检查沉默或过表达 KLF4 基因后 GMC 中 IL-23 基因的表达

1.2.4.1 GMC分组处理

GMC 细胞分组如下:①shKLF4 + sublytic C5b-9 组;②shCTR + sublytic C5b-9组;③pIRES2组;④ pIRES2-KLF4组;⑤Sublytic C5b-9组;⑥MEM 组。 ①、②组转染shKLF4质粒后48h再用sublytic C5b-9 刺激5或6h;③、④组分别转染pIRES2和pIRES2-KLF4质粒48h。

1.2.4.2 qPCR检查细胞内IL-23 mRNA水平

用 TRIzol 抽提 GMC 的总 RNA,并测定 RNA 的 含量和纯度。将 RNA 逆转录成 cDNA。此后,用 Primer Premier 软件辅助设计 IL-23 引物,交金斯瑞 生物技术有限公司合成。引物序列是:上游 5'-TCAAGGACAACAGCCAGTTC-3',下游 5'-GCCCAG-TAGGGAGGTATGAA-3'。qPCR反应总体系为20 μ L (含 cDNA 模板, AceQ[®] qPCR SYBR[®] Green Master Mix 和上下游引物)。反应在 ABI Prime 7300 上进 行。参数为 95 °C/5 min、95 °C/10 s、60 °C/20 s 和 72 °C/20 s。后 3步重复 40 个循环,在 60 °C进行单点 荧光检测(每个样本设 3 个复孔)。对于实验数据, 以 2^{-ΔΔCT}进行计算。

1.2.4.3 ELISA法测定培养上清液IL-23的蛋白含量

GMC分组处理同前。收集细胞培养上清液,行 双抗体夹心ELISA法检查上清中IL-23的分泌水平, 每个样本设3个复孔。操作步骤见ELISA试剂盒说 明书。反应完成后用酶标仪在450 nm 处测定吸光 度。以标准品浓度为横坐标,测得的吸光度值为纵 坐标,绘制标准曲线。根据标本的吸光度值在标准 曲线上查出其相应的浓度。

1.2.5 检查沉默或过表达 KLF4 基因后 GMC 中 IL-23 基因启动子的活性

将不同质粒与 IL-23 启动子质粒分别共转染 GMC(分组处理同前)。然后裂解细胞,行双荧光素 酶报告基因检测试剂盒(luciferase reporter assay)测 定 IL-23 基因启动子活性(每个样本设3个复孔)。 实验步骤参见试剂盒说明书。将细胞裂解样品放 入Modulus[™]荧光计中检测,读取萤火虫荧光值。之 后再将处理的样品置于 Modulus[™]荧光计中测定,读 取海肾荧光值。最终结果以萤火虫荧光值/海肾荧 光值表示^[11]。

1.3 统计学方法

所得定量数据以均数±标准差($\bar{x} \pm s$)表示,组间 比较采用单因素方差分析,进一步两两比较采用 Bonfferoni检验。应用SPSS 17.0 软件进行统计学分 析, $P \leq 0.05$ 为差异有统计学意义。

2 结 果

2.1 shKLF4质粒的构建与鉴定

将公司合成的4个针对KLF4基因不同靶点的 shRNA质粒进行DNA测序,经BLAST比对证实,目 的DNA片段已正确克隆入pGCsi-U6/Neo/GFP/shR-NA载体中。表明,重组4个shKLF4质粒均构建成 功。之后,将空载质粒shCTR电转染入GMC,观察 表达GFP的细胞占总GMC的百分比。结果显示,质 粒转染GMC后48h,转染效率可达到80%以上(图 1A)。此外,将前述4个shKLF4及其shCTR质粒分 别电转染GMC后48h再用sublytic C5b-9刺激3h。 Western blot检查显示,KLF4shRNA-1可明显下调 sublytic C5b-9诱导KLF4蛋白的表达,差异有统计 学意义(图1B),故后续实验选取shKLF4-1用以沉 默KLF4基因,并统一简称为shKLF4。

2.2 pIRES2-KLF4表达质粒的构建与鉴定

以GMC的mRNA为模板,PCR扩增大鼠KLF4 基因CDS区,将扩增产物插入pIRES2-EGFP表达载 体中。经测序和BLAST比对后证实,pIRES2-KLF4 质粒构建成功。将pIRES2-KLF4和其pIRES2对照 质粒分别电转染GMC 48h,裂解细胞行Western blot 检查显示,pIRES2-KLF4重组质粒转染组的KLF4蛋 白表达明显增多,差异有统计学意义(图2)。

2.3 IL-23基因启动子全长报告质粒的构建与鉴定

以大鼠GMC 基因组 DNA 为模板,用PCR 扩增 IL-23 启动子全长(-1 316~+307 nt),将扩增产物插 入pGL3-basic 荧光素酶报告载体上的酶切位点 *Mlu* I和 *Xho* I之间(图 3A)。经菌液 PCR 鉴定显示,阳 性条带出现在目标位置,即1 623 bp 处(图 3B)。 DNA测序并比对后证实,扩增序列完全正确。表明 重组 pGL3-IL23(-1 316~+307 nt)质粒构建成功。 2.4 沉默或过表达 KLF4 基因对 sublytic C5b-9 上调 IL-23 基因表达的影响

将最佳干扰效率的shKLF4质粒转染GMC 48 h, 再给予 sublytic C5b-9 刺激 5 h 或 6 h。同时,将 pIRES2-KLF4 和其对照pIRES2 质粒分别转染GMC 48 h,分别提取各组细胞的mRNA 和收集上清液后 行 qPCR 和ELISA测定IL-23 mRNA 和蛋白的分泌水





A:shCTR 空载体转染 GMC 后 48 h,评估 GFP转染效率约为 80% 以上。B:分别将针对 KLF4 不同靶点的 4 个 shRNA 及对照 shCTR 转染 GMC 48 h,再行 sublytic C5b-9 刺激 3 h, Western blot 检查 KLF4 蛋 自表达。"P < 0.01 vs. shCTR+sublytic C5b-9。

- 图1 shCTR转染GMC效率的评估及最佳shKLF4沉默效率的筛选
- Figure 1 Evaluation of efficiency in the GMC transfected by shCTR and screening of optimal shKLF4 silence



图 2 pIKES2-KLF4 顶型转来 GMC 农区 KLF4 蛋白的釜定 Figure 2 Identification of KLF4 protein expression in the GMC transfected by pIRES2-KLF4



A:基因启动子全长荧光素酶报告质粒图谱;B:菌液PCR电泳 条带。

图 3 IL-23 基因启动子全长荧光素酶报告质粒的构建与鉴 定

Figure 3 Construction and identification of full-length luciferase reporter plasmid of IL-23 gene promoter

平。结果显示, shKLF4 + sublytic C5b-9组的 IL-23 mRNA(5h)和蛋白水平(6h)均明显低于 shCTR + sublytic C5b-9组和 sublytic C5b-9组, 差异有统计学 意义。另转染了 pIRES2-KLF4 过表达质粒的 GMC 组, IL-23 mRNA(图4A)和蛋白的分泌水平(图4B) 均明显升高, 差异有统计学意义。

2.5 KLF4表达对 sublytic C5b-9 刺激 GMC 诱导 IL-23基因启动的影响

将 IL-23 启动子质粒分别与 KLF4 的小干扰和 过表达质粒(包括各自的对照质粒)共转染 GMC,培 养48 h 再行 sublytic C5b-9 刺激 5 h(共转染过表达质 粒组不予刺激),测定 IL-23 启动子的活性。结果发 现,沉默或过表达 KLF4 基因后可明显降低或升高 IL-23 的启动子活性,差异有统计学意义(图5)。

3 讨 论

大鼠Thy-1N的病理改变与人类MsPGN极为相 似,是目前研究MsPGN的一种较好的动物模型^[17]。 大量证据已经表明,GMC的炎症反应是肾组织损伤 的重要原因,而补体激活形成的 sublytic C5b-9 又是 Thy-1N 致病的关键因素^[11,18-19]。本课题组过去的实



将 shKLF4转染 GMC 后 48 h 再给予 sublytic C5b-9 刺激 5 h 或 6 h 或将 pIRES2-KLF4 质粒及对照质粒转染 GMC 后 48 h(转染过表达质 粒的 GMC 不予 sublytic C5b-9 刺激),随后用 qPCR(A)和 ELISA(B) 检查沉默 KLF4 基因后由 sublytic C5b-9 刺激 GMC 或过表达 KLF4 基 因后,其IL-23 mRNA 丰度和蛋白的分泌水平(**P < 0.01 vs. shCTR + sublytic C5b-9组;[△]P < 0.01 vs. pIRES2组)。

图 4 沉默或过表达 KLF4 后对 IL-23 基因表达的影响 Figure 4 Effect of KLF4 gene silence or overexpression on IL-23 gene expression

验已证实,在Thy-1N发病早期,大鼠GMC表面可查见 sublytic C5b-9的沉积,且体外用 sublytic C5b-9刺激 GMC 后也能诱导 IL-6的生成^[11],但目前有关 GMC 生成促炎因子的分子机制并未阐明。

本实验室前期研究结果显示,Thy-1N大鼠的肾 组织内及体外用 sublytic C5b-9 刺激 GMC 后均能诱 导转录因子 KLF4 和促炎因子 IL-23 的表达上调,且 KLF4 的表达时相早于 IL-23 的产生。据此,本文推 测,KLF4 或许能在 IL-23 的基因转录和表达中起一 定的作用。



**P < 0.01 vs. shCTR+sublytic C5b-9 和 sublytic C5b-9 组; $^{\triangle \Delta}P < 0.01 vs.$ pIRES2 组和MEM组。

- 图 5 KLF4 对 sublytic C5b-9 刺激 GMC 上调 IL-23 启动子 活性的影响
- Figure 5 Effect of KLF4 on upregulating IL-23 promoter in the GMC stimulated by sublytic C5b-9

已知用真核表达载体在细胞内转录生成短发 夹状shRNA是目前RNAi技术的一种常见手段,其优 点是能够长时间且高效地诱导基因表达沉默^[20]。在 本实验中,成功构建了4个KLF4的shRNA。将这些 干扰质粒分别转染GMC后进行最佳沉默效率的筛 选。结果发现,shKLF4-1沉默目的基因的效率最为 显著。因此,后续的功能研究中,将选择shKLF4-1 进行相关的实验。

除了沉默目的基因外,还将KLF4基因的CDS 区插入真核表达载体pIRES2-EGFP中构建了KLF4 的过表达质粒(pIRES2-KLF4)。之后,又将其转染 入GMC,并行Western blot实验证实,pIRES2-KLF4 能在GMC中表达KLF4蛋白。

为了检查 KLF4 的表达对 sublytic C5b-9 诱导 GMC生成IL-23 的影响,进行了 KLF4 基因沉默或过 表达实验。结果发现,当沉默 KLF4 基因后, sublytic C5b-9 刺激诱导的 IL-23 明显减少, 而过表达 KLF4 后则能显著增加 IL-23 的分泌。提示, KLF4 的表达 确能促进 sublytic C5b-9诱导的 IL-23 合成与分泌。

KLF4作为一种核转录因子,其C端包含3个连续锌指结构的DNA结合结构域^[13]。据此猜想, KLF4调控sublytic C5b-9诱导IL-23的表达可能与其激活了该基因的启动子有关。为了证明这个推断, 本研究利用荧光素酶报告基因实验进行了相关的研究。先构建了大鼠IL-23的启动子全长质粒,即 pGL3-IL-23(-1 316~+307 nt)。随后,将此pGL3-IL-23 质粒转染 GMC 后 48 h 再给予 sublytic C5b-9 刺激 5 h。结果发现,sublytic C5b-9 刺激 GMC 后能明显上 调IL-23 的启动子活性,而在沉默或过表达 KLF4 基因 后则又可显著降低或升高 IL-23 的启动子活性。

综上所述,本研究证实了转录因子 KLF4 能够 调控促炎因子 IL-23 基因的启动子活性,并促进其 基因转录与表达。这一结果为后续深入研究大鼠 Thy-1N 发病时,由 sublytic C5b-9 刺激 GMC 诱导 IL-23 生成及其相应的调控机制提供了前期数据,同时 也为今后探讨人类 MsPGN 的发病机制等提供了必 要的实验依据。

[参考文献]

- [1] Mestecky J, Raska M, Julian BA, et al. IgA nephropathy: molecular mechanisms of the disease [J]. Annu Rev Pathol, 2013, 8:217-240
- [2] Tamouza H, Chemouny JM, Raskova Kafkova L, et al. The IgA1 immune complex-mediated activation of the MAPK/ ERK kinase pathway in mesangial cells is associated with glomerular damage in IgA nephropathy [J]. Kidney Int, 2012,82(12):1284-1296
- [3] Cina DP, Xu H, Liu L, et al. Renal tubular angiogenic dysregulation in anti - Thy1.1 glomerulonephritis [J]. Am J Physiol Renal Physiol, 2011, 300(2):488–498
- [4] Cove-Smith A, Mulgrew CJ, Rudyk O, et al. Anti-proliferative actions of T-type calcium channel inhibition in Thy1 nephritis[J]. Am J Pathol, 2013, 183(2):391-401
- [5] Stangou M, Alexopoulos E, Pantzaki A, et al. C5b-9 glomerular deposition and tubular alpha3beta1-integrin expression are implicated in the development of chronic lesions and predict renal function outcome in immunoglobulin A nephropathy [J]. Scand J Urol Nephrol, 2008, 42 (4):373–380
- [6] Falk RJ, Sisson SP, Dalmasso AP, et al. Ultrastructural localization of the membrane attack complex of complement in human renal tissues [J]. Am J Kidney Dis, 1987, 9: 121-128
- [7] Liu L, Qiu W, Wang H, et al. Sublytic C5b-9 complexes induce apoptosis of glomerular mesangial cells in rats with Thy-1 nephritis through role of interferon regulatory factor-1-dependent caspase 8 activation[J]. J Biol Chem, 2012,287(20):16410-16423
- [8] He F, Zhou M, Yu T, et al. Sublytic C5b-9 triggers glomerular mesangial cell apoptosis in rat Thy-1 nephritis via Gadd45 activation mediated by Egr-1 and p300-dependent ATF3 acetylation[J]. J Mol Cell Biol, 2016, 8(6): (下转第 1387页)

- [6] 岳林先,陈 琴.甲状腺影像报告和数据系统的共识与问题[J].临床超声医学杂志,2016,18(3):185-188
- [7] Al-Hilli Z, Strajina V, McKenzie TJ, et al. Thyroglobulin measurement in fine-needle aspiration improves the diagnosis of cervical lymph node metastases in papillary thyroid carcinoma[J]. Ann Surg Oncol, 2017, 24(3):739-744
- [8] 陈晓康,陈少华,吕国荣,等. 超声 TI-R ADS 分类对甲 状腺结节的诊断价值[J].中国超声医学杂志,2012,28 (12):1066-1068
- [9] Eszlinger M, Lau L, Ghaznavi S, et al. Molecular profiling of thyroid nodule fine-needle aspiration cytology [J]. Nat Rev Endocrinol, 2017, 13(7):415-424
- [10] 刘晓云,陈欢欢,戎 荣,等. 超声引导下甲状腺细针穿 刺在甲状腺疾病诊治中的临床应用评价[J]. 南京医科 大学学报(自然科学版),2012,32(6):831-836
- [11] 陈 曼,何永刚,周建桥,等.超声引导下甲状腺结节细

针穿刺细胞学检查与超声评估的临床价值[J].中国超声医学杂志,2011,27(10):888-890

- [12] Mokhtari M, Kumar PV, Hayati K. Fine-needle aspiration study of cysticpapillary thyroid carcinoma: Rare cytological findings[J]. J Cytol, 2016, 33(3): 120–124
- [13] 陈 杰. 注意甲状腺肿瘤病理诊断中的问题[J]. 中华 病理学杂志, 2014, 43(5): 289-290
- [14] Rosario PW, Silva AL, Calsolari MR. Is fine needle aspiration really notnecessary in patients with thyroid nodules ≤ 1 cm with highly suspicious featureson ultrasonography and candidates for active surveillance?[J]. Diagn Cytopathol, 2017, 45(4):294-296
- [15] 唐鹤文,张 波,姜玉新. 超声引导下甲状腺结节细针 穿刺活检进展[J].中国实用外科杂志,2015,35(6):
 679-683

[收稿日期] 2017-12-13

(上接第1336页)

477-491

- [9] Qiu W, Zhang Y, Liu X, et al. Sublytic C5b-9 complexes induce proliferative changes of glomerular mesangial cells in rat Thy-1 nephritis through TRAF6-mediated PI3K-dependent Akt1 activation[J]. J Pathol, 2012, 226(4):619– 632
- [10] Gao L, Zhang Y, Qiu W, et al. Effects of PI3-k/Akt short hairpin RNA on proliferation, fibronectin production and synthesis of thrombospondin - 1 and transforming growth factor-beta1 in glomerular mesangial cells induced by sublytic C5b-9 complexes[J]. Cell Prolif, 2009, 42(1):83–93
- [11] Zhang J, Li Y, Shan K, et al. Sublytic C5b-9 induces IL-6 and TGF-beta1 production by glomerular mesangial cells in rat Thy-1 nephritis through p300-mediated C/EBPbeta acetylation[J]. FASEB J, 2014, 28(3):1511-1525
- [12] Jiang X, Zhang J, Xia M, et al. Role of activating transcription factor 3(ATF3)in sublytic C5b-9-induced glomerular mesangial cell apoptosis [J]. Cell Mol Immunol, 2010, 7 (2):143-151
- [13] Hamik A, Lin Z, Kumar A, et al. Kruppel-like factor 4 regulates endothelial inflammation [J]. J Biol Chem, 2007, 282(18):13769-13779
- [14] Mreich E, Chen XM, Zaky A, et al. The role of KLF4 in TGFβ induced inflammatory and fibrotic responses in human proximal tubule cells[J]. Clin Exp Pharmacol Physi-

ol,2015,42(6):680-686

- [15] Yen D, Cheung J, Scheerens H, et al. IL-23 is essential for T cellmediated colitis and promotes inflammation via IL-17 and IL-6[J]. J Clin Invest, 2006, 116(5):1310– 1316
- [16] Murphy CA, Langrish CL, Chen Y, et al. Divergent proand antiinflammatory roles for IL-23 and IL-12 in joint autoimmune inflammation [J]. J Exp Med, 2003, 198(12): 1951-1957
- [17] Darvill AM, Ballardie FW. Mesangial autoantigens in IgA nephropathy: matrix synthesis and localization [J]. J Lab Clin Med, 2006, 147(6): 301-309
- [18] Qiu W, Che N, Feng X, et al. Apoptosis of glomerular mesangial cells induced by sublytic C5b-9 complexes in rats with Thy-1 nephritis is dependent on Gadd45 gamma upregulation[J]. Eur J Immunol, 2009, 39(11): 3251-3266
- [19] Cantaluppi V, Medica D, Mannari C, et al. Endothelial progenitor cell - derived extracellular vesicles protect from complement - mediated mesangial injury in experimental anti - Thy1.1 glomerulonephritis [J]. Nephrol Dial Transplant, 2015, 30(3):410-422
- [20] Chen ZY, Liang K, Lin Y, et al. Study of the UTMD-based delivery system to induce cervical cancer cell apoptosis and inhibit proliferation with shRNA targeting survivin [J]. Int J Mol Sci, 2013, 14: 1763-1777

[收稿日期] 2018-02-24